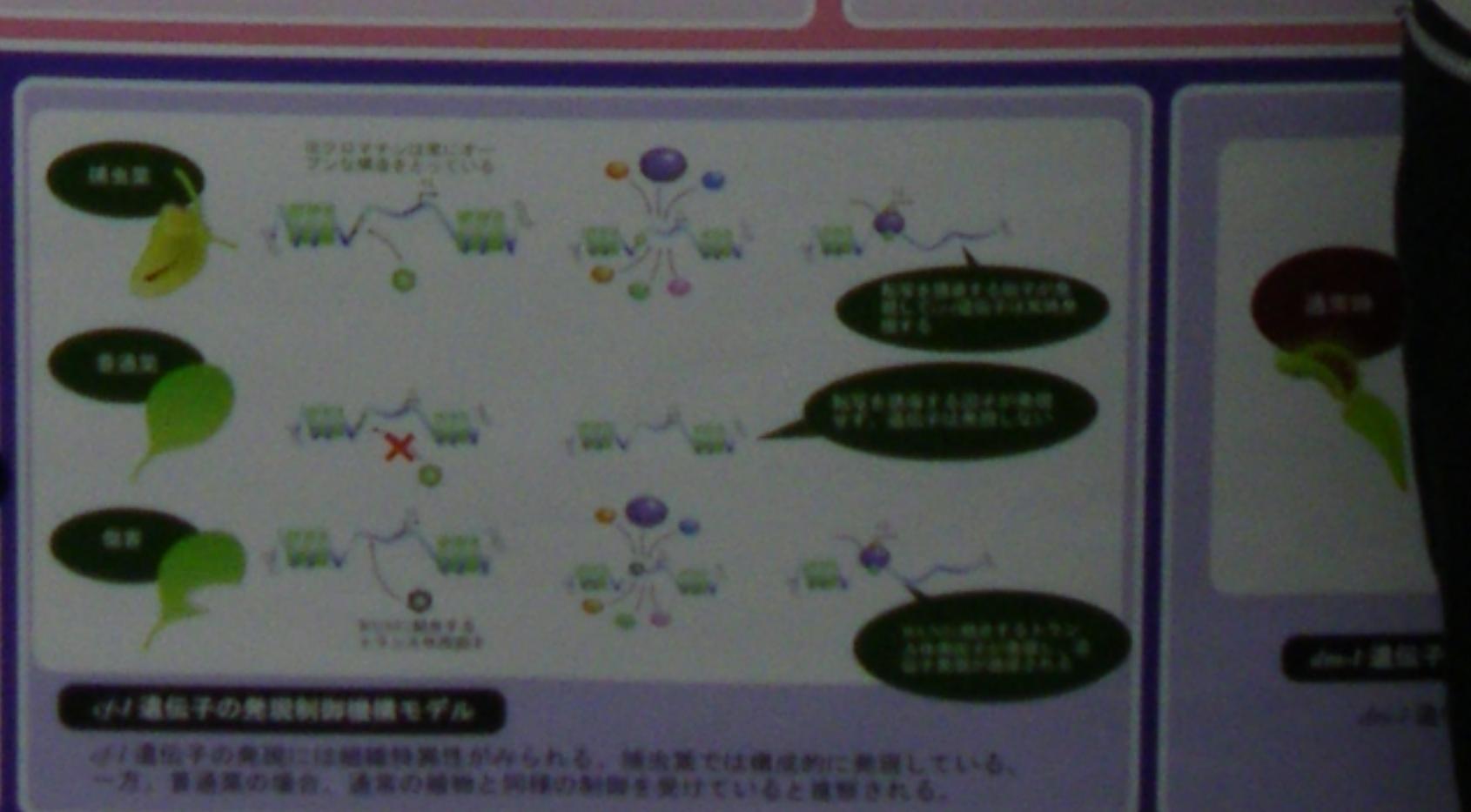
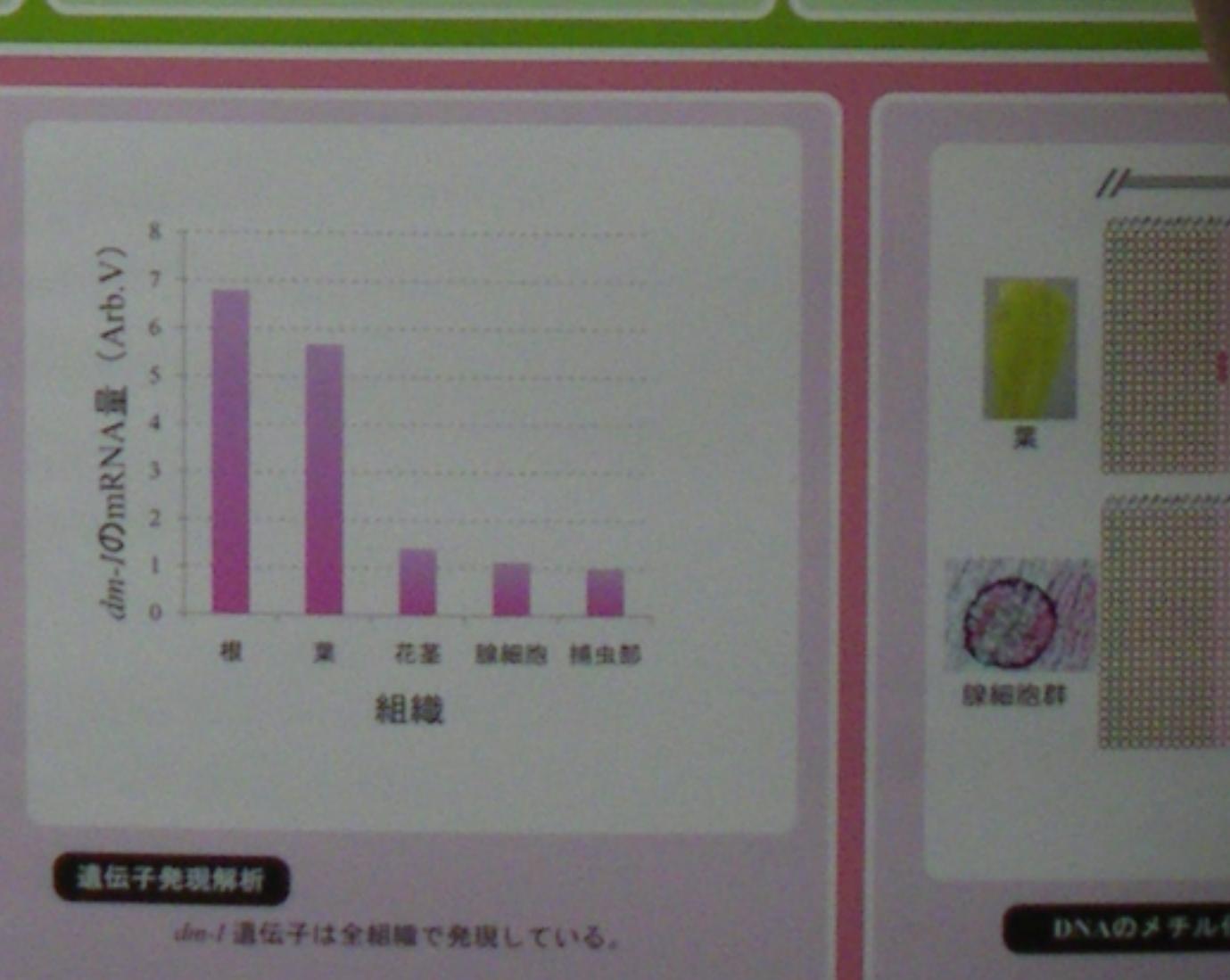
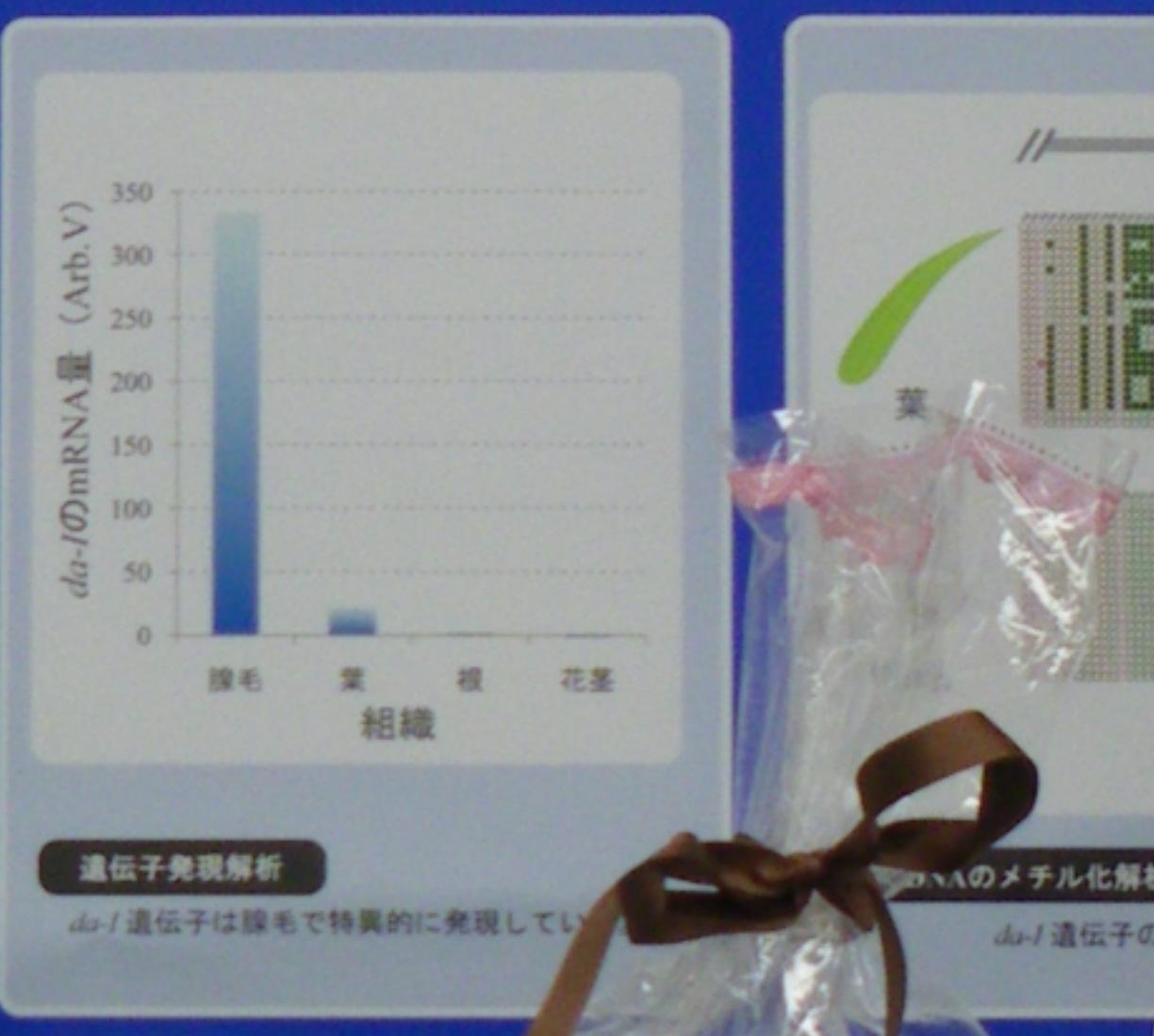


# RNase遺伝子から探る食虫植物遺伝子の機能進化

○西村恵美<sup>1</sup>、漢那憲祐<sup>1</sup>、野崎直仁<sup>2</sup>、大山隆<sup>1,3</sup>

<sup>1</sup>早大院・先進理工、<sup>2</sup>東工大・バイオフロンティアセ、<sup>3</sup>早大・教育・総合科学・生物

S-like RNase（リボヌクレアーゼ）は、一般的な植物ではリン酸鉄膜や病原菌感染等のストレスに応答して誘導されることが知られている。近年我々は、食虫植物*Drosera adelae*（ツルギバモウセンゴケ）、*Cephalotus follicularis*（フクロユキノシタ）の各消化液中に、S-like RNaseが含まれていることを発見した。また、対応する遺伝子を単離し（それぞれ、*da-1*、*dm-1*、*cf-1*と命名）、組織ごとの遺伝子発現解析とプロモーターのメチル化解析を行った。その結果、*da-1*遺伝子は腺毛でのモーターのメチル化解析を行った。その結果、*da-1*遺伝子は腺毛でのみ発現し、そのプロモーターは葉では高メチル化状態にあるが、腺毛ではメチル化されていないことが判明した。また、*dm-1*遺伝子は解析した全組織で発現し、そのプロモーターはどの組織でもメチル化されていないことが示唆された。*cf-1*遺伝子の発現は捕虫葉に限られていることが分かったが、そのプロモーターは*dm-1*プロモーターの場合と同様、どの組織でもメチル化されていないことが判明した。以上から、食虫植物のS-like RNase遺伝子の発現様式はストレス応答的ではないことが明らかになった。また、その発現制御機構が確立される過程には進化的類縁関係よりも捕虫様式の方がより深く関わったものと考えられる。



*D. adelae*のS-like RNase遺伝子 $da-1$ は、腺毛特異的に高発現している。 $da-1$ プロモーターは、腺毛では低メチル化状態にあるが、他の組織では高度にメチル化している。*C. follicularis*の $dm-1$ は全組織で構成的に発現している。 $cf-1$ プロモーターは、組織非特異的に低メチル化の状態にある。*D. muscipula*の $dm-1$ は全組織で構成的に発現している。 $dm-1$ プロモーターは、組織非特異的に低メチル化の状態にある。系統的には、*D. adelae*と*D. muscipula*は近縁種であり、両者と*C. follicularis*は遠縁の種であるが、S-like RNase遺伝子の発現様式は、*D. adelae*と*C. follicularis*が類似している。以上から、食虫植物のS-like RNase遺伝子の発現様式はストレス応答的ではないことが明らかになった。また、その発現制御機構が確立される過程には進化的類縁関係よりも捕虫様式の方がより深く関わったものと考えられる。

自生地の分布

3種の食虫植物の自生地はそれぞれ離れている。

遺伝子発現解析

*da-1*遺伝子は腺毛で特異的に発現している。

DNAのメチル化解析

*da-1*遺伝子の

ポスター賞

西村 恵美 殿

平成23年度日本生化学会関東支部例会において、貴殿が発表されたポスターが、参加者の投票において最も優れていると評されました。よってここにその栄誉をたたえこれを賞します。

平成23年6月25日

日本生化学会関東支部 支部長 嶋田 一夫



遺伝子発現解析

*cf-1*遺伝子は腺細胞群を含む捕虫葉で発現している。

DNAのメチル化解析

*cf-1*遺伝子の

遺伝子発現解析

*dm-1*遺伝子は全組織で発現している。

DNAのメチル化解析

*dm-1*遺伝子の

cf-1遺伝子の発現制御機構モデル

*cf-1*遺伝子の発現部位には感覚細胞が含まれる。捕虫葉では構成的に発現している一方、普通葉の場合、通常の植物と同様の制御を受けないと複製される。

da-1遺伝子の発現制御機構モデル

*da-1*遺伝子の発現部位には感覚細胞が含まれる。捕虫葉では構成的に発現している一方、普通葉の場合、通常の植物と同様の制御を受けないと複製される。